

Túlélés-vizsgálat melanoma malignum esetén következő generációs szekvenálási adatok felhasználásával

Csonka Gábor

November 22, 2016

Konzulens: Dr. Gyórfy Balázs

Következő generációs szekvenálási adatokon végzett szekvencia-analízis különféle típusú mutációkat mutathat ki. Ezen mutációk ritkán járnak egyértelmű, kórleolyásra vonatkozó következményekkel.

A rosszindulatú bőrrák (melanoma malignum) adatain végzett ROC analízis rávilágíthat olyan génekre, melyek működése kapcsolatban áll adott gének mutációs státuszával. Dolgozatomban különféle gének mutációs mintázatai alapján két osztályba sorolt betegek génjeinek expresszióját hasonlítottam össze. Ez alapján megpróbáltam becslést adni ezek néhány metagénjére, vagyis azon génekre, melyek kifejeződését a vizsgált gének mutációs státusza befolyásolja. Ezen információkat alapul véve a túlélésre vonatkozó adatok segítségével következtetni lehet a genotípus patológiás következményeire.

Az ismertett eljárás a jövőben egy már két másik ráktípusra működő (emlő, tüdő), szabadon hozzáférhető internetes felület része lesz. A módszer képes arra, hogy mutációhoz klinikai következményt társítson, ez nagyban segíti a különböző hajtó-mutációk és jellemző gének kimutatását, vizsgálatát.